

黎明型 | 研究プロジェクト

黎明型

未知ウイルスハンティングのための予測モデルの構築

Construction of predictive model for hunting unknown emerging pathogenic viruses

プロジェクト期間 | 令和5年4月1日～令和6年3月31日



大村 達夫

シニアリサーチフェロー
Senior Research Fellow

■ 研究の概要

ヒトを含む様々な動物に感染する既知病原ウイルスのゲノム配列間のパターン(ゲノム特性)の違いを機械学習させて、ヒトへの高い感染性が疑われるゲノム配列を予測するモデルを構築します。その上で、人々の生活で排出される下水から検出した網羅的なウイルスのゲノム配列データを活用し、構築した予測モデルを適用することによって、下水から将来パンデミックを引き起こす可能性の高い未知ウイルスと既知の病原ウイルス変異株のハンティングを行います。

CONTACT  tatsuo.omura.d4@tohoku.ac.jp